

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



Reso sotto forma di autocertificazione ai
sensi del DPR n. 445/2000

INFORMAZIONI PERSONALI

Nome **GIAMPIERO VALE'**
Indirizzo Lavoro Università del Piemonte Orientale, Dipartimento di Scienze e Innovazione tecnologica,
Complesso Universitario S. Giuseppe, Università del Piemonte Orientale, Piazza S. Eusebio 5,
13100 Vercelli
Telefono 347 2753315
E-mail giampiero.vale@uniupo.it
Data di nascita e Nazionalità 02/06/1965; Italiana
Posizione ricoperta Dal 28/12/2018, Professore Associato, Università del Piemonte Orientale, Settore concorsuale
05/I1 – BIO/18 Genetica

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Date 1991-1994
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università degli studi di Milano – Scuola di specializzazione triennale in Genetica Applicata
- Qualifica conseguita Specializzazione in Genetica Applicata indirizzo Biologia Applicata
Discussione della tesi dal titolo “Analisi molecolare della interazione orzo (Hordeum vulgare L.) –
Pyrenophora graminea”
- Votazione 70/70

- Date Gennaio 1991
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università Cattolica del Sacro Cuore di Piacenza – Esame di Stato
- Qualifica conseguita Abilitazione all'esercizio della libera professione di dottore Agronomo

- Date Luglio 1990
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università Cattolica del Sacro Cuore di Piacenza
- Qualifica conseguita Laurea in Scienze Agrarie, Indirizzo Produzione Vegetale
Discussione della tesi dal titolo “Selezione di genotipi di mais per l'interazione con Azospirillum”
- Votazione 110/110 con lode

- Date Marzo 1988- Giugno 1990
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università Cattolica del Sacro Cuore di Piacenza – Facoltà di Agraria
Internato biennale presso l'Istituto di Botanica e Genetica Vegetale
- Tema di ricerca Selezione di genotipi di mais per l'interazione con Azospirillum
Supervisor: Prof. Carlo Lorenzoni

- Date 1985
- Nome e tipo di istituto di istruzione o Istituto Tecnico Agrario Statale “C. Gallini” – Voghera (PV)

- formazione
- Qualifica conseguita

Diploma di perito agrario

ESPERIENZA LAVORATIVA

- **Date** Da Dicembre 2018
- **Nome e indirizzo del datore di lavoro** Università del Piemonte Orientale Amedeo Avogadro
 - **Dipartimento** Dipartimento di Scienze e Innovazione tecnologica
 - **Tipo di impiego** Professore associato in Genetica (SSD BIO/18)
- **Principali attività e responsabilità** Docenza per i corsi Genetica I (laurea triennale in Scienze Biologiche), Genetica II (laurea magistrale in Scienze Biologiche), Plant Genetics (laurea magistrale in Food, Health and Environment). Temi di ricerca principalmente orientati sulla genetica e genomica del riso per adattamento a stress biotici, abiotici e qualità del prodotto finale.

- **Date** Da Maggio 2017 a Dicembre 2018
- **Nome e indirizzo del datore di lavoro** CREA
 - **Tipo di azienda o settore** Centro di ricerca Cerealicoltura e Colture Industriali, sede di Vercelli
 - **Tipo di impiego** Responsabile Sede di Vercelli del CREA-CI/Ricercatore III livello
- **Principali attività e responsabilità** Coordinamento delle attività scientifiche della Sede di Vercelli del CREA-CI; expertise in breeding convenzionale, genetica molecolare (analisi trascrittomiche), genetica quantitativa, clonaggio per posizione di geni di interesse agronomico, selezione assistita con marcatori molecolari, con focus su resistenze a patogeni e tolleranza a stress abiotici; caratterizzazione e valorizzazione di germoplasma; esperienza nella analisi di dati genetici: costruzione di mappe genetiche, mappaggio di geni singoli e caratteri quantitativi, mappaggio per associazione di caratteri agronomici e qualitativi in cereali.

- **Date** Dal Gennaio 2011 a Aprile 2017
- **Nome e indirizzo del datore di lavoro** CRA/CREA
 - **Tipo di azienda o settore** Unità di ricerca per la risicoltura
 - **Tipo di impiego** Direttore incaricato della Unità di ricerca per la risicoltura/Ricercatore III livello
- **Principali attività e responsabilità** Gestione amministrativa, tecnica e programmatica della Unità di ricerca per la risicoltura e di due aziende afferenti alla Unità di ricerca localizzate a Borgolavezzaro (NO) (Cascina La Sbarra) di ha 128.26 e a Villarboit (VC) di ha 7.60; Coordinamento delle attività scientifiche della Unità di ricerca; expertise in breeding convenzionale, genetica molecolare (analisi trascrittomiche), genetica quantitativa, clonaggio per posizione di geni di interesse agronomico, selezione assistita con marcatori molecolari, con focus su resistenze a patogeni e tolleranza a stress abiotici; caratterizzazione e valorizzazione di germoplasma; esperienza nella analisi di dati genetici: costruzione di mappe genetiche, mappaggio di geni singoli e caratteri quantitativi, mappaggio per associazione di caratteri agronomici e qualitativi in cereali.

- **Date** Aprile 2006 - Dicembre 2010
- **Nome e indirizzo del datore di lavoro** CRA/CREA
 - **Tipo di azienda o settore** Centro di ricerca per la genomica e la postgenomica animale e vegetale di Fiorenzuola d'Arda (PC)
 - **Tipo di impiego** Ricercatore III livello
- **Principali attività e responsabilità** Caratterizzazione genetica e molecolare di meccanismi di tolleranza a stress biotici e abiotici in piante di interesse agrario (orzo, frumento duro, melanzana, vite e pioppo) mediante mappaggi genetici, analisi trascrittomiche e proteomiche. Responsabile di UO in progetti di ricerca.

- **Date** Aprile 1996 – Maggio 2006
- **Nome e indirizzo del datore di lavoro** Istituto sperimentale per la Cerealicoltura
 - **Tipo di azienda o settore** Sezione di Fiorenzuola d'Arda
 - **Tipo di impiego** Collaboratore tecnico di ruolo del Ministero per le Produzioni Agricole
- **Principali attività e responsabilità** Caratterizzazione genetica e molecolare di meccanismi di tolleranza a stress biotici e abiotici in orzo e melanzana mediante mappaggi genetici, analisi trascrittomiche e proteomiche.

Responsabile di UO in progetti di ricerca.

- Date Luglio 1999 – Marzo 2000
- Istituzione John Innes Institute, Norwich (UK)
- Tipo di impiego Visiting scientist mediante borse di studio CNR
- Tema di ricerca Isolamento, caratterizzazione e studio di funzione dei geni Mla1 e Mla12, responsabili della resistenza dell'orzo all'agente dell'oidio..

- Date Gennaio 1995 –Marzo 1996
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Istituto sperimentale per la Cerealicoltura
- Tipo di azienda o settore Sezione di Fiorenzuola d'Arda
- Tipo di impiego Collaboratore scientifico
- Principali attività e responsabilità Caratterizzazione genetica e molecolare di meccanismi di tolleranza a stress biotici e abiotici in orzo mediante mappaggi genetici, analisi trascrittomiche e proteomiche.

- Date Gennaio 1993 – Dicembre 1994
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Istituto sperimentale per la Cerealicoltura
- Tipo di azienda o settore Sezione di Fiorenzuola d'Arda
- Tipo di impiego Borsista del MAF
- Principali attività e responsabilità Caratterizzazione genetica e molecolare di meccanismi di tolleranza a stress biotici e abiotici in orzo mediante mappaggi genetici, analisi trascrittomiche e proteomiche.

- Date Gennaio 1991 – Dicembre 1992
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Istituto sperimentale per la Cerealicoltura
- Tipo di azienda o settore Sezione di Fiorenzuola d'Arda
- Tipo di impiego Collaboratore scientifico
- Principali attività e responsabilità Caratterizzazione qualitative dell'orzo da malto e analisi genetica e molecolare di meccanismi di tolleranza a stress biotici in orzo.

- Date Agosto 1990 – Dicembre 1990
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Università Cattolica S.C. di Piacenza
- Tipo di azienda o settore Istituto di Botanica e Genetica vegetale
- Tipo di impiego Collaboratore scientifico
- Principali attività e responsabilità Caratterizzazione di linee di mais per attitudine alla associazione con Azospirillum.

RESPONSABILITÀ U.O. PROGETTI DI RICERCA NAZIONALI

- 2001 - 2005 Progetto coordinato a finanziamento MiPAF "Protezione delle piante mediante l'uso di marcatori molecolari, PROMAR", ricerca "La striatura bruna dell'orzo: mappaggio fine del gene di resistenza, identificazione di geni indotti dalla infezione e sviluppo di marcatori molecolari per la selezione assistita"
- 2005 - 2007 Progetto coordinato a finanziamento regione Emilia-Romagna "CEREALAB, Laboratorio Biotecnologie Non-OGM per l'Industria Sementiera", ricerca "Sviluppo di marcatori molecolari per la selezione assistita per resistenze a stress biotici in orzo e Sviluppo della caratterizzazione molecolare dei risi a grana rossa"
- 2005 - 2010 Progetto coordinato a finanziamento MiPAF "Progetto di ricerca per potenziare la competitività di orticole in aree meridionali, PROM", ricerca "Mappaggio genetico del gene di resistenza a Fusarium in melanzana e sviluppo di marcatori molecolari ad esso associati" e ricerca "Mappaggio fine del gene Rfo.sa1 che conferisce resistenza a Fusarium e perfezionamento della mappa genetica"
- 2005 - 2009 Progetto coordinato a finanziamento MiPAF "Proteine e geni per la protezione delle piante da stress biotici e abiotici PROTEO-STRESS", ricerca "Identificazione di proteine implicate nella trasduzione del segnale durante la reazione di resistenza/tolleranza a stress biotici e abiotici nei cereali"
- 2005 - 2009 Progetto coordinato a finanziamento MiPAF "Sequenziamento e caratterizzazione funzionale del genoma della vite VIGNA", ricerca "Caratterizzazione varietale e resistenza a stress", responsabile del gruppo di lavoro sulla tematica "Patologia e resistenza a malattie: analisi

	funzionale dei geni di resistenza mediante reverse genetics”
2008 - 2010	Progetto coordinato a finanziamento regione Emilia-Romagna, programma di ricerca: Sicurezza Tecnologie Innovazione Agroalimentare – SITEIA, ricerca: Caratterizzazione di germoplasma, Innovazione del processo di costituzione varietale: sviluppo di marcatori molecolari e di nuove metodiche di selezione
2008 - 2012	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF: Progetto Internazionale Sequenziamento Genoma Frumenti: la mappa fisica del cromosoma 5A, ricerca: Analisi di librerie genomiche per la realizzazione di una mappa fisica del cromosoma 5 A di frumento
2009 - 2011	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF “Il sequenziamento del genoma di Citrus; la sua applicazione nella genomica funzionale e nel miglioramento genetico; ricerca: Proteine, modificazioni post-traduzionali coinvolti nella resistenza a CTV
2010 - 2013	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF “ESPLORAZIONE della biodiversità vegetale ed animale alla ricerca di alleli superiori da inserire nei programmi di miglioramento genetico a sostegno dell'agricoltura nazionale (ESPLORA)”, ricerca “Esplorazione del germoplasma di riso temperato (<i>Oryza sativa ssp.japonica</i>) mediante association mapping per caratteri di resistenza”
2012 - 2013	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF “Conservazione biodiversità, gestione banche dati e miglioramento genetico, BIODATI”; ricerca “Miglioramento genetico del riso per la costituzione di nuove varietà con caratteristiche rispondenti alle esigenze agronomiche e di filiera”
2012 - 2014	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF “Risorse Genetiche Vegetali – Trattato FAO (RGV/FAO)”, ricerca Conservazione, caratterizzazione e valorizzazione del germoplasma di riso dell'area temperata (<i>Oryza sativa L. ssp. japonica</i>)
2011 - 2014	Progetto coordinato a finanziamento regione Lombardia “Piattaforma di biotecnologie verdi e di tecniche gestionali per un sistema agricolo ad elevata sostenibilità ambientale (BIOGESTECA), responsabile del WP3 “Uso della risorsa idrica nella coltivazione del riso”
2012 - 2014	Responsabile per CREA-RIS di una convenzione con il Parco Tecnologico Padano per collaborazione nell'ambito del progetto di ricerca “Sviluppo di varietà tolleranti a carenza idrica per una risicoltura ecosostenibile in Italia, Progetto: DRYRICE”
2012 - 2013	Responsabile per CREA-RIS di una convenzione con il Dipartimento di Biologia della Università degli Studi di Milano per collaborazione nell'ambito del progetto di ricerca “Floral Integrating Networks at the Shoot apical meristem of rice
2012 - 2014	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF “Piano nazionale sementi biologiche”, ricerca: “Identificazione e validazione di varietà di riso appropriate all'impiego in agricoltura biologica”
2011 - 2014	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF “Ricerca, sperimentazione, tecnologie innovative, sostenibilità ambientale ed alta formazione per il potenziamento della filiera risicola nazionale – (POLORISO); nell'ambito del progetto è responsabile di unità di ricerca e di WP (a cui afferiscono come sub-unità: CREA-IAA, CREA-FLC, CREA-SCV, CREA-ING, CREA-QCE e CREA-ABP) per la ricerca “Innovazione ed interventi avanzati per la filiera del riso italiano: innovazione varietale, qualità e ambiente”
2012 - 2014	Progetto coordinato di ricerca bilaterale Italia-Canada a finanziamento MiPAF, titolo: “Attività di gemellaggio Italia – Canada nel settore della ricerca scientifica e innovazione in campo agro-alimentare (CANADAIR)”; nell'ambito del progetto è responsabile di unità di ricerca e di WP (a cui afferiscono come sub-unità: CREA-CER, CREA-MAC, CREA-FLC e CREA-CIN) per la ricerca “Miglioramento avanzato della resistenza a funghi tossigeni in specie di interesse, diagnosi precoce e controllo delle infezioni”
2014 - 2016	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF, titolo: “Progetto per l'attuazione delle attività contenute nel programma triennale 2011/2013 per la conservazione, caratterizzazione, uso e valorizzazione delle risorse genetiche vegetali per l'alimentazione e l'agricoltura (RGV-FAO)”, è responsabile di unità di ricerca per la ricerca “Caratterizzazione e valorizzazione del germoplasma di riso dell'area temperata (<i>Oryza sativa L. ssp. japonica</i>)”
2017 - 2019	Progetto coordinato a finanziamento MiPAF “Progetto per l'attuazione delle attività contenute nel programma triennale 2017-2019 per la conservazione, caratterizzazione, uso e valorizzazione delle risorse genetiche vegetali per l'alimentazione e l'agricoltura (RGV-FAO)”, è responsabile di unità di ricerca per la ricerca “Caratterizzazione e valorizzazione della biodiversità in riso per caratteri di interesse agronomico”

RESPONSABILITÀ U.O. PROGETTI DI RICERCA INTERNAZIONALI

2012 - 2017	Progetto coordinato bilaterale Italia-Francia, a finanziamento AGROPOLIS FONDATION - FONDAZIONE CARIPLLO “Genomic selection for resources use efficiency in rice, (GS-Ruse)”; è responsabile di unità di ricerca per la ricerca “Pedigree breeding for WUE & NUE in rice japonica background”
-------------	---

- 2014 - 2018 Progetto coordinato a finanziamento MiPAAF-EU, "Sustainable and environmental friendly rice cultivation systems in Europe (GreenRice)" nell'ambito della call FACCE-ERA-NET+ on Climate Smart Agriculture, responsabile di unità di ricerca
- 2016 - 2020 Progetto coordinato "New commercial EUropean RICE (Oryza sativa) harbouring salt tolerance alleles to protect the rice sector against climate change and apple snail (Pomacea insularum) invasion (NEURICE)" nell'ambito del bando H2020 SFS-05-2015, responsabile di unità di ricerca

COORDINATORE DI PROGETTI DI RICERCA

- 2008 - 2011 Progetto coordinato CREA/MiPAAF: "Identificazione di geni implicati nella resistenza e nella patogenicità in interazioni tra piante di interesse agrario e patogeni fungini, batterici e virali" - RESPAT - ; nel medesimo progetto è anche responsabile di UO per la ricerca: "Identificazione di loci genetici e miRNA coinvolti nella resistenza del frumento duro alla ruggine bruna"
- 2011 - 2014 Progetto coordinato AGER-Riso a finanziamento Fondazione AGER, titolo: "INTEGRATED GENETIC AND GENOMIC APPROACHES FOR NEW ITALIAN RICE BREEDING STRATEGIES, (RISINNOVA)"; è coordinatore e responsabile di WP1 (Genetic and genomic approaches to improve protection against the main rice diseases)
- 2017 - 2020 Progetto coordinato Riso Biosystems a finanziamento MiPAAF, titolo: "Progetto di ricerca, sviluppo e trasferimento a sostegno della risicoltura biologica; è stato designato coordinatore di progetto con nota MiPAAF n. 0029840 del 12/04/2016; il progetto è stato finanziato con DM n. 94667 del 19 dicembre 2016

ATTIVITÀ DI VALUTATORE DI PROGETTI

- Da luglio 2012 presente nell'albo esperti MiUR per la valutazione dei progetti di ricerca
- Da maggio 2016 membro del Eurostars Experts gestito da EUREKA e European Community
- Novembre 2010 reviewer del progetto: BARD (The United States - Israel Binational Agricultural Research and Development Fund) Proposal IS-4428-11; titolo: "Wild wheat: a genetic resource for wheat breeding"
- Gennaio-febbraio 2011 valutatore di progetti MIUR: a) programma di ricerca prot. 2009AX3TKZ, progetto: Individuazione e caratterizzazione funzionale di geni coinvolti nelle vie biosintetiche degli aromi in Vitis vinifera; b) programma di ricerca prot. 2009WHCMA5, progetto: Miglioramento genetico del melo per resistenza a ticchiolatura e scopazzi: ricerca di fonti di resistenza, analisi delle basi genetiche e selezione di genotipi con resistenze multiple
- Agosto-settembre 2012 reviewer di progetto di ricerca della Università di Gent (Belgio), Proposal BOF2012/GOA/030/T; titolo "Unravelling the hormone response to abiotic and biotic stress in rice: a keystone towards broad spectrum resistance"
- Gennaio 2013 valutatore di progetti per il Committee of Science del Ministry of Education and Science, Repubblica del Kazakhstan; titoli progetti: i) Detection of donors of wheat resistance to yellow rust on the base of DNA markers; ii) Study of the rice blast resistance genes using phytopathologic and molecular-genetic methods
- Giugno-luglio 2013 valutatore progetti ERA-CAPS Grant application; titolo progetto: Nitrogen nutrition and Pathogen susceptibility: Priming by metabolism and signalling" (OPTiMiSm_079)
- Dicembre 2013 reviewer progetto BARD (The United States - Israel Bi-National Agricultural Research and Development Fund) Proposal IS-4748-14; titolo "Genotype versus phenotype selection in a germplasm exchange program, a case study of wheat yield components under drought"
- Gennaio 2014 valutatore di progetti per il National Center of Science and Technology Evaluation, Repubblica del Kazakhstan, titolo del progetto: "Introduction of modern foreign technologies of molecular biology and genetics in the selection process of agricultural crops with the purpose of creation of essentially new high-yielding drought-resistant grades for the droughty climate of Northern Kazakhstan
- Agosto-settembre 2014 valutatore progetto ERA-CAPS Grant application; titolo progetto: CAPS "Molecular Dissection of Disease Responses in Wheat" (MDDRW)
- Gennaio 2014 e Novembre-dicembre 2014 valutatore di progetti per il National Center of Science and Technology Evaluation, Repubblica del Kazakhstan, titolo dei progetti: "Introduction of modern foreign technologies of molecular biology and genetics in the selection process of agricultural crops with the purpose of creation of essentially new high-yielding drought-resistant grades for the droughty climate of Northern Kazakhstan" (gennaio 2014) e "Creation of high-yield, cold tolerant new rice forms and lines for domestic breeding of varieties adapted to the northern rice-growing regions of Kazakhstan", "Physiological, biochemical and molecular basis of productivity and stress resistance synthetic wheat and selection of sources of yield and disease resistance", "The creation of new wheat

	lines with low amylose content in grain by marker assisted selection based on molecular identification of alleles variations of granule-bound starch synthase genes” (novembre-dicembre 2014)
Novembre-dicembre 2014	reviewer progetto BARD (The United States - Israel Bi-National Agricultural Research and Development Fund) Proposal IS-4830-15 R; titolo progetto: Wheat yield components under drought: Closing the genotype-phenotype gap
Aprile 2015	reviewer progetto International Foundation for Science (IFS); titolo progetto: Genetic Improvement of Yield and Grain Quality in Upland Rice (<i>Oryza sativa</i> L.) in South Sudan
Novembre-dicembre 2015	reviewer progetto del German Federal Ministry of Education and Research (BMBF); titolo progetto “Structural genome variation, haplotype diversity and the barley pan-genome - Exploring structural genome diversity for barley breeding” (SHAPE)
Maggio 2017	reviewer progetto ERA-CAPS 3rd Call; titolo progetto: SIMLOR_ Stress-induced moderation of mlo-mediated disease resistance in barley

CONGRESSI: MEMBRO DI COMITATI ORGANIZZATORI, CHAIRMAN, RUOLI DIVERSI IN SOCIETÀ SCIENTIFICHE

Settembre 1997	chairman della sessione “Interaction of fungal pathogens with cereal host plant” al Second International Symposium Cereals-Pathogens and Stress Factors, Poznan (Polonia)
Novembre 2002	membro del comitato scientifico nella organizzazione del congresso Internazionale Eucarpia (European Association for Research on Plant Breeding) “From biodiversity to genomics: breeding strategies for small grain cereals in the third millennium”, Salsomaggiore (PR)
Settembre 2008	co-chairman della sessione parallela “Genomics, proteomics and metabolomics” al 52.mo Convegno Annuale SIGA, Padova
Settembre 2011	chairman della Session VIA, Crop Productivity: physiology and genetics al Convegno congiunto AGI-SIBV-SIGA, Assisi (PG)
Ottobre 2012	membro del Comitato Scientifico di organizzazione e chairman della Session 1 del Workshop: Genetic and genomic approaches for crop protection: biotic and abiotic stress resistance and adaptation nel Workshop internazionale “Crop improvement in a changing environment: the Risinnova project for sustainable rice production in Italy”
Giugno-Luglio 2013	revisore dei conti della Società Italiana di Genetica Agraria
Da Settembre 2013 a settembre 2015	membro del Consiglio Direttivo della Società Italiana di Genetica Agraria in qualità di Consigliere, su elezione della assemblea dei soci
Febbraio-giugno 2014	membro dell’International Scientific Committee per il congresso IWBLD – 1st International Workshop on Barley Leaf Diseases, Salsomaggiore Terme, (http://www.iwbld.org/); al congresso è chairman della Session 6 su “Durable resistance in barley”; Italy, June 3-6, 2014
Maggio-Settembre 2014	membro del Comitato Scientifico del 58° congresso annuale della Società Italiana di Genetica Agraria (SIGA) e chairman della session I “Next Generation Sequencing for next generation agriculture and breeding”, Alghero, 15-18 Settembre 2014 (http://www.siga2014.it/)
Giugno 2015	chairman al congresso “Twinning Italy-Canada activities in Research and Innovation in the Agro-Food Area, project CANADAIR, Lodi, 17 giugno 2015
Settembre 2015	membro del Comitato Scientifico del Joint congress SIBV-SIGA, e co-chairman della Session B Omics for crop improvement, Milano, 8-11 settembre 2015
Settembre 2019	Co-chairman della Session Plant genetics and molecular biology del 63° congresso SIGA, Napoli, 10-13 settembre 2019

RELATORE A CONGRESSI NAZIONALI E INTERNAZIONALI, ORGANIZZAZIONE DI EVENTI DIVULGATIVI

Congressi nazionali

Ottobre 1993	XXXVII Convegno della Società Italiana di Genetica Agraria, Orvieto, comunicazione dal titolo: “Identificazione di alcuni geni coinvolti nell’interazione orzo-Drechslera graminea”
Maggio 1994	VIII convegno “Aspetti molecolari e fisiologici delle interazioni pianta-patogeno”, Alghero, organizzato da Istituto di Patologia vegetale, Università degli Studi di Sassari, comunicazione dal titolo: “Attivazione di geni in radici di orzo in risposta all’infezione con due isolati di Drechslera graminea”
Maggio 1996	IX convegno “Aspetti molecolari e fisiologici delle interazioni pianta-patogeno”, Ragusa, organizzato da Istituto di Patologia vegetale, Università degli Studi di Catania, comunicazione dal titolo: “Studio genetico di un locus che controlla la resistenza dell’orzo a Pyrenophora graminea”

Dicembre 1996	workshop S.I.G.A. "Organismi geneticamente modificati e resistenze genetiche", Bologna, comunicazione dal titolo: "Analisi molecolare della risposta dell'orzo a <i>Pyrenophora graminea</i> e identificazione di QTL responsabili della resistenza"
Settembre 1998	X convegno "Aspetti molecolari e fisiologici delle interazioni pianta-patogeno", Potenza, organizzato da Dipartimento di Biologia, Difesa e Biotecnologie Agro-Forestali, Università degli Studi della Basilicata, comunicazione dal titolo: "Attivazione di geni di difesa nella interazione orzo- <i>Pyrenophora graminea</i> : clonaggio e regolazione"
Maggio-Giugno 2001	XI convegno "Aspetti molecolari e fisiologici delle interazioni pianta-patogeno", Roma, organizzato da Dipartimento di Biologia Vegetale, Università degli Studi di Roma "La Sapienza", comunicazione dal titolo: "Identificazione in orzo di Rdg2a, un nuovo gene di resistenza alla striatura bruna e di marcatori molecolari utilizzabili per la selezione assistita in programmi di breeding"
Novembre 2007	convegno "Biotecnologia e ricerca genomica nel CREA: attualità e prospettive", Salsomaggiore Terme (PR), presentazione dal titolo: "MAS, mappaggio fine e clonaggio per posizione di geni"
Giugno 2008	convegno "La patologia vegetale nelle linee strategiche-programmatiche del CREA", CREA-PAV, Roma, presentazione dal titolo: "Ricerche sulla interazione pianta-patogeno al CREA-GPG"
Aprile 2011	convegno Alimenti del Piatto Mediterraneo e Rapporti con la Salute, Fiera di Bologna, Bologna, presentazione dal titolo: "Sicurezza alimentare e resistenza a funghi micotossigeni"
Novembre 2013	convegno Autenticità Delle Produzioni Agricole E Degli Alimenti: Il Caso Dei Cereali, Accademia Dei Georgofili, Logge Uffizi Corti, Firenze, presentazione dal titolo: "Autenticità nel riso"
Gennaio 2014	convegno "Sistemi innovativi per una gestione sostenibile dell'acqua in risaia", Centro Ricerche sul Riso, Castello d'Agogna (PV), presentazione dal titolo: "La risposta genetica del riso a tecniche alternative di gestione dell'acqua"
Febbraio 2014	convegno "Giornata Nazionale sulle Sementi e Varietà di Riso, "Rice Seed Day", Centro Ricerche sul Riso, Castello d'Agogna (PV), presentazione dal titolo: "I ruoli possibili della ricerca genetica nel monitoraggio di parametri di qualità delle sementi"
Febbraio 2014	convegno di chiusura del progetto BIOGESTECA, Polo Universitario di Lodi, Lodi, presentazione sulla Tematica di gestione della risorsa irrigua
Settembre 2014	58° congresso annuale della Società Italiana di Genetica Agraria (SIGA), Alghero, presentazione dal titolo "Integration of genetic mapping and RNA-seq approaches allowed dissection of a durable blast resistance in rice"
Giugno e settembre 2015, novembre 2016	partecipazione ai programmi divulgativi Superquark (giugno 2015), Geo&Geo (settembre 2015), Buongiorno Regione RAI3 (novembre 2016) con presentazione di attività di ricerca in corso presso CREA-RIS
Ottobre 2015	meeting "La ricerca scientifica per le sfide del futuro", collegio Ghislieri, Pavia, presentazione dal titolo "La ricerca genetica per la lotta alle malattie e risparmio idrico in riso"
Aprile 2018	meeting sul riso, Università del Piemonte Orientale, P.zza S. Eusebio 5, Vercelli, presentazione dal titolo "La ricerca per ottimizzare la coltivazione del riso: sfide e opportunità"
Congressi internazionali	
Settembre 1997	Second International Symposium Cereals-Pathogens and Stress Factors, Poznan (Polonia), comunicazione: "Identification of QTLs for barley resistance to <i>Pyrenophora graminea</i> "
Maggio 2003	convegno internazionale "In the wake of the double helix, from the green revolution to the gene revolution", Università di Bologna, Dipartimento di Scienze Agro-Ambientali e Tecnologia, relazione nell'ambito della sessione "Biotechnology for food security and sustainability" dal titolo: "Genetic bases of barley resistance to the leaf stripe agent <i>Pyrenophora graminea</i> "
Marzo 2008	workshop internazionale "Tuning the taste of wine, the results of the French-Italian grape genome sequencing project and their potential for applications", Udine, relazione dal titolo: "In silico and wet functional genomics in VIGNA at Genomic research Centre of Fiorenzuola"
Maggio 2008	workshop internazionale RICEIMMUNITY, Parco Tecnologico Padano, Lodi, presentazione dal titolo: "Molecular assisted breeding for blast resistance"
Dicembre 2009	Barley Genome Net International Meeting, Milano, presentazione dal titolo: "Map-based cloning and characterization of the leaf stripe resistance gene Rdg2a in barley"
Maggio 2010	CREA Workshop "Strategies in biochemical and physiological plant research: new approaches", Roma, presentazione dal titolo: Plant response to biotic and abiotic stressful conditions: signal perception and transduction for the improvement of plant defense strategies"
Maggio 2011	3rd Workshop on TritiGen COST Action FAO604, "Triticeae genomics for the advancement of essentials European crops, Istanbul, presentazione dal titolo: "The CC-NB-LRR-type Rdg2a resistance gene confers immunity to the seed-borne barley leaf stripe pathogen in the absence

	of hypersensitive cell death”
Settembre 2011	IWGSC Workshop, Mexico City, Mexico, presentazione dal titolo: “Recent advances in physical mapping of the short arm of wheat chromosome 5A”
Ottobre 2013	Meeting COST FA1208 “Pathogen-informed strategies for sustainable broad-spectrum crop resistance”, Birnam (UK), presentazione dal titolo: “Integration of genetics and RNA-Seq approaches to dissect a durable blast resistance in rice”
Giugno-luglio 2014	IWGSC Workshop del Joint EUCARPIA Cereal Section & ITMI Conference, Wernigerode, Germany, presentazione dal titolo: “An integrated approach for the physical mapping of wheat chromosome 5A”
Novembre 2014	invited speaker al congresso 2014 Rice International Conference From Staple to Innovation (http://www.rice2014.com/en/index.php), Session 2 “Rice breeding and agricultural practices to meet processing and product requirements”, Pingtung, Taiwan, presentazione dal titolo: “Breeding for quality- and functional-related traits in European temperate japonica rice”
Settembre 2015	Meeting “Water and sustainability of rice production: a global perspective”, Parco Tecnologico Padano, Lodi, Italia, presentazione dal titolo: “Evaluation of different water management strategies for rice cultivation”
Settembre 2015	International conference Zephyr: Zero-Impact Technology to respond to Zero Hunger Challenge, Milano, Italia, presentazione dal titolo: “Optimizing rice cultivation: challenges and opportunities”
Ottobre 2015	visiting su invito alla China Agricultural University, Beijing, Cina e presentazione di relazioni dal titolo “Priorities for rice research in Italy and Europe” alla China Agricultural University, Beijing e alla Academy of Agricultural Sciences, Nanjing

Organizzazione di eventi di divulgazione

Settembre 2011, 2012, 2013, 2014, 2015, 2016, 2017 e 2018	organizzatore del Open Day di CREA-RIS/sede di Vercelli CREA-CI, con presentazione dei risultati delle ricerche. Ottobre 2016, coordina la visita di un direttore e di un vice presidente della Academy of agricultural sciences (JNAAS) di Nanjing (Cina) presso diverse strutture del CREA (CREA-RPS, CREA-Sede, CREA-GPG, CREA-RIS, CREA-IAA)
---	--

ATTIVITÀ DI DOCENZA (PRECEDENTE ALLA ATTIVITÀ DI PROFESSORE UNIVERSITARIO)

2000-2001	incarico di docenza del corso di “Genetica e miglioramento genetico per la resistenza a stress biotici nelle piante di interesse agrario” nell’ambito del Dottorato di ricerca in Biologia Vegetale e produttività della pianta coltivata dell’Università di Milano
2001	incarico di docenza nel corso di formazione professionale FSE “Esperto in tecniche di rintracciabilità OGM” della Regione Emilia Romagna organizzato presso la Azienda Sperimentale “Vittorio Tadini”
2002	incarico di docenza nell’ambito del modulo “Fondamenti di Biotecnologie Molecolari” nel corso FSE Regione Lombardia “Esperto in rintracciabilità di OGM” organizzato dalla Università Cattolica del Sacro Cuore presso la sede di Cremona
2003	incarico di docenza per seminari integrativi nell’ambito del corso di Genetica Agraria e Miglioramento del corso di laurea in Protezione delle piante della Facoltà di Agraria della Università degli Studi di Milano
2007	incarico di docenza al Master in “Manager della filiera agroalimentare” presso la Università degli Studi di Teramo
2001/2002, 2002/2003, 2003/2004; 2005/2006; 2006/2007	professore a contratto per il corso “Fisiologia della produzione” (modulo di 10-25 ore - laurea specialistica) presso la Facoltà di Agraria della Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia
2003/2004, 2004/2005	professore a contratto per i corsi “Biotecnologie per la protezione delle piante” (modulo di 40 ore – laurea specialistica) presso la Facoltà di Agraria della Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia
2003/2004, 2004/2005, 2005/2006	professore a contratto “Biologia Molecolare Vegetale” (modulo di 50 ore – laurea di primo livello) presso la Facoltà di Agraria della Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia
2005/2006, 2006/2007, 2007/2008, 2008/2009, 2009/2010, 2010-2011	professore a contratto per il corso “Patologia vegetale molecolare e genomica vegetale” (modulo di 32 ore – laurea di primo livello, corso di laurea in Biotecnologie) presso la facoltà di Scienze Matematiche Fisiche e Naturali della Università degli Studi di Parma

ALTRE ATTIVITÀ SCIENTIFICHE E PROFESSIONALI

MEMBRO DI COMITATI, GRUPPI DI LAVORO, DELEGAZIONI, COLLEGI

2010	Membro del Comitato Tecnico di Monitoraggio del progetto CREA PROMONITOR
2010	Membro del Gruppo di lavoro per la elaborazione del progetto "Micotossine" del CREA. La successiva elaborazione del progetto, in seguito alla partecipazione alla delegazione presso Agriculture and Agri-Food Canada è sfociata nel progetto CANADAIR
2010	Membro della delegazione nazionale presso Agriculture and Agri-Food Canada e partecipa ai tavoli rotondi e incontri con colleghi Canadesi per definire collaborazioni bilaterali di ricerca Italia-Canada. La elaborazione delle relazioni bilaterali di ricerca con i colleghi Canadesi ha consentito la approvazione a finanziamento del progetto CANADAIR
2011	Membro del Comitato di Gestione del progetto AGER-RISINNOVA
2011-2012	Membro del Gruppo di lavoro incaricato di proporre alla Commissione Sementi del MiPAAF la revisione dei criteri per l'iscrizione al Registro Nazionale delle varietà di riso
2013	Sottoscrive, unitamente al Direttore del Dipartimento di Biologia e Produzione Vegetale del CREA, una Letter of Intent tra il Consiglio per la ricerca e la sperimentazione in agricoltura e Agriculture And Agri-Food Canada per facilitare la collaborazione e ricerca tra le due Istituzioni
2013	Membro di un gruppo di lavoro della Regione Piemonte per la definizione delle linee guida del PSR Filiera Riso
Dal 2013	Membro del Expert Working group (EWG) "Durum Wheat Genomics and Breeding" del consortium the "Wheat Initiative" (www.wheatinitiative.org)
2015-2016	Membro del gruppo di lavoro per la valutazione della qualità della ricerca (VQR) 2011-2014 del CREA
2016-2018	Rappresentante del CREA nel Tavolo di concertazione per le politiche di mercato del riso del MiPAAF
Dal 2016	Membro del Working Group on Rice Authentication del ICC (International Association for Cereal Science and Technology) Technical Committee
2020	Da Maggio 2020 è membro del collegio docenti del dottorato in Chemistry and Biology dell'Università del Piemonte Orientale per il 36° ciclo (https://www.disit.uniupo.it/tutto-studenti/iscritti/dottorato-di-ricerca-chemistry-and-biology)

SFRUTTAMENTO COMMERCIALE DI NOVITA' VEGETALI, PRIVATIVE

2011	Ha sottoscritto convenzioni per l'affidamento della gestione commerciale delle varietà di riso Onice e Ducato rispettivamente alle Ditte Sementiere Bertone Sementi e S.I.S. (Società Italiana Sementi)
2012	Ha sottoscritto convenzioni per l'affidamento della gestione commerciale delle varietà di riso Vialone Nano e Agata rispettivamente con le Ditte Sementiere Melzi D'Eri/Bovo Sementi e Bertone Sementi
2012-2013	Ha ottenuto la Privativa Comunitaria per le varietà di riso Ducato (decisione n. 33458), Salvo (decisione n. 33457) (2012) e Onice (decisione n. 34408) (2013)

MADRELINGUA **ITALIANO**

ALTRE LINGUE **INGLESE:** ottimo
FRANCESE: buono

MEMBRO DI EDITORIAL BOARD DI RIVISTE SCIENTIFICHE INTERNAZIONALI

Dal 2012 al 2014 è membro dell'Editorial Board della rivista internazionale ISRN (International Scholarly Research Network) Genomics (Hindawi).

Da maggio 2017 è membro dell'Editorial Board, come Associate Editor, della rivista internazionale *Frontiers in Plant Science*, specialty section *Crop Science and Horticulture* (<http://journal.frontiersin.org/journal/plant-science#editorial-board>)

ATTIVITA' DI REFEREE PER RIVISTE SCIENTIFICHE INTERNAZIONALI

E' stato referee di lavori scientifici per diverse riviste internazionali, che includono: *Theoretical and Applied Genetics*, *Plant Breeding*, *Cellular and Molecular Biology Letters*, *Journal of Phytopathology*, *Journal of Plant Pathology*, *Molecular Plant Microbe Interactions*, *Functional and Integrative Genomics*, *Physiological and Molecular Plant Pathology*, *Molecular Plant Pathology*,

Plant Science, Journal of Plant Physiology, Heredity, Journal of Experimental Botany, Plant Cell Reports, Molecular Breeding, Molecular Genetics and Genomics, BMC Genomics, BMC Plant Biology, BMC Genetics, Genome, PLOS ONE, Frontiers in Plant Science, Journal of Cereal Science, Plant Biotechnology Journal, Plant Journal, Scientific Reports.

ORCID

<http://orcid.org/0000-0003-2158-9726>

PUBBLICAZIONI

75 PUBBLICAZIONI SU SCOPUS, H-INDEX 23

ARTICOLI IN RIVISTE ISI

1. Volante A, Tondelli A, Desiderio F, Abbruscato P, Menin B, Biselli C, Casella L, Singh N, McCouch SR, Tharreau D, Zampieri E, Cattivelli L, Valè G (2020) Genome wide association studies for japonica rice resistance to blast in field and controlled conditions. *Rice* 13:71. DOI: 10.1186/s12284-020-00431-2
2. Barabaschi D, Tondelli A, Valè G, Cattivelli L (2020) Fitness cost shapes differential evolutionary dynamics of disease resistance genes in cultivated and wild plants. *Molecular Plant* 13:1-3. DOI: 10.1016/j.molp.2020.09.003
3. Orasen G, De Nisi P, Lucchini G, Abruzzese A, Pesenti M, Maghrebi M, Kumar A, Nocito FF, Baldoni E, Morgutti S, Negrini N, Valè G, Sacchi GA (2019) Continuous flooding or alternate wetting and drying differently affect the accumulation of health-promoting phytochemicals and minerals in rice brown grain. *Agronomy* 9: 628. DOI:10.3390/agronomy9100628
4. Andreozzi A, Prieto P, Mercado-Blanco J, Monaco S, Zampieri E, Romano S, Valè G, Defez R, Bianco C (2019) Efficient colonization of the endophytes *Herbaspirillum huttiense* RCA24 and *Enterobacter cloacae* RCA25 influences the physiological parameters of *Oryza sativa* L. cv. Baldo rice. *Environmental Microbiology* 21(9): 3489–3504. DOI: 10.1111/1462-2920.14688
5. Oliver V, Cochrane N, Magnusson J, Brachi E, Monaco S, Volante A, Courtois B, Valè G, Price A, Teh YA (2019) Effects of water management and cultivar on carbon dynamics, plant productivity and biomass allocation in European rice systems. *Science of the Total Environment* 685: 1139–1151. DOI: 10.1016/j.scitotenv.2019.06.110.
6. Biselli C, Volante A, Desiderio F, Tondelli A, Gianinetti A, Finocchiaro F, Taddei F, Gazza L, Sgrulletta D, Cattivelli L, Valè G (2019) GWAS for Starch-Related Parameters in Japonica Rice (*Oryza sativa* L.). *Plants*, 8, 292. DOI:10.3390/plants8080292
7. Nghi KN, Tondelli A, Valè G, Tagliani A, Marè C, Perata P, Pucciariello C (2019) Dissection of coleoptile elongation in japonica rice under submergence through integrated genome-wide association mapping and transcriptional analyses. *Plant Cell Environment*, 42:1832–1846. DOI: 10.1111/pce.13540
8. Hu X, Rocheleau H, McCartney C, Biselli C, Balcerzak M, Fedak G, Yan Z, Valè G, Khanizadeh S, Ouellet T (2019) Identification and mapping of esprese genes associated with the 2DL QTL for fusarium head blight resistance in the wheat line Wuhan 1. *BMC Genetics*, 20:47. DOI: 10.1186/s12863-019-0748-6.
9. Borrelli GM, Mazzucotelli E, Marone D, Crosatti C, Michelotti V, Valè G, Mastrangelo AM (2018) Regulation and Evolution of NLR Genes: A Close Interconnection for Plant Immunity. *The International Journal of Molecular Sciences*, 19:1662. DOI: 10.3390/ijms19061662
10. Ben Hassen M, Bartholomé J, Valè G, Cao TV, Ahmadi N (2018) Genomic Prediction accounting for Genotype by Environment Interaction Offers an Effective Framework for Breeding Simultaneously for Adaptation to an Abiotic Stress and Performance Under Normal Cropping Conditions in Rice. *G3: Genes, Genomes, Genetics*, 8: 2319-2332. DOI: 10.1534/g3.118.200098.
11. Gianinetti A, Finocchiaro F, Bagnaresi P, Zechini A, Faccioli P, Cattivelli L, Valè G, Biselli C (2018) Seed dormancy involves a transcriptional program that supports early plastid functionality during imbibition. *Plants*, 7: 35. DOI: 10.3390/plants7020035
12. Buerstmayr M, Steiner B, Wagner C, Schwarz P, Brugger K, Barabaschi D, Volante A, Valè G, Cattivelli L, Buerstmayr H (2018) High-resolution mapping of the of the peri-centromeric region on wheat chromosome arm 5AS harboring the Fusarium head blight resistance QTL *Qfhs.ifa-5A*. *Plant Biotechnology Journal*, 16:1046-1056. DOI: 10.1111/pbi.12850
13. Biselli C, Bagnaresi P, Faccioli P, Hu X, Balcerzark M, Mattera GM, Yan Z, Ouellet T, Cattivelli

- L, Valè G (2018) Comparative transcriptome profiles of near-isogenic hexaploid wheat lines differing for effective alleles at the 2DL FHB resistance QTL. *Frontiers in Plant Science*, 9:37. DOI: 10.3389/fpls.2018.00037.
14. Ben Hassen M, Cao T-V, Bartholomé J, Orasen G, Colombi C, Rakotomalala J, Razafinimpiaza L, Bertone C, Biselli C, Volante A, Desiderio F, Jacquin JL, Valè G, Ahmadi N (2018) Rice diversity panel provides accurate genomic predictions for complex traits in the progenies of biparental crosses involving members of the panel. *Theoretical and Applied Genetics*, 131(2): 417-435. DOI: 10.1007/s00122-017-3011-4.
 15. Vaksmaa A, van Alen TA, Ettwig KF, Lupotto E, Valè G, Jetten MSM, Lüke C (2017) Stratification of diversity and activity of methanogenic and methanotrophic microorganisms in a nitrogen-fertilized Italian paddy soil. *Frontiers in Microbiology*, 8:2127. DOI: 10.3389/fmicb.2017.02127
 16. Volante A, Desiderio F, Tondelli A, Perrini R, Orasen G, Biselli C, Riccardi P, Vattari A, Cavalluzzo D, Urso S, Ben Hassen M, Fricano A, Piffanelli P, Cozzi P, Biscarini F, Sacchi GA, Cattivelli L, Valè G (2017) Genome-wide analysis of japonica rice performance under limited water and permanent flooding conditions. *Frontiers in Plant Science*, 8:1862. DOI: 10.3389/fpls.2017.01862.
 17. Volante A, Tondelli A, Aragona M, Valente MT, Biselli C, Desiderio F, Bagnaresi P, Matic S, Gullino ML, Infantino A, Spadaro D, Valè G (2017) Identification of bakanae disease resistance loci in japonica rice through genome wide association study. *Rice* 10:29. DOI: 10.1186/s12284-017-0168-z.
 18. Valente MT, Desiderio F, Infantino A, Valè G, Abbruscato P, Aragona M (2017) Genetic variability of *Fusarium fujikuroi* populations associated with bakanae of rice in Italy. *Plant Pathology*, 66(3): 469-479; DOI: 10.1111/ppa.12575.
 19. Ben Hassen M, Monaco F, Facchi A, Romani M, Valè G, Sali G (2017) Economic performance of traditional and modern rice varieties under different water management systems. *Sustainability* 9(3): 347; doi:10.3390/su9030347.
 20. Vaksmaa A, Lüke C, van Alen T, Valè G, Lupotto E, Jetten MSM, Ettwig KF (2016) Distribution and activity of the anaerobic methanotrophic community in a nitrogen-fertilized Italian paddy soil. *FEMS Microbiology Ecology*, 92(12), DOI:10.1093/femsec/fiw181
 21. Barchi L, Rotino GL, Toppino L, Valè G, Acciarri N, Ciriaci T, Portis E, Lanteri S (2016) SNP mapping and identification of QTL for horticultural key breeding traits in eggplant (*Solanum melongena* L.). *Acta Horticulturae*, 1145:9-15, DOI: 10.17660/ActaHortic.2016.1145.2; ISSN: 05677572 ISBN: 978-946261134-4.
 22. Matic S, Bagnaresi P, Biselli C, Orrù L, Carneiro GA, Siciliano I, Valè G, Gullino ML, Spadaro D (2016) Comparative transcriptome profiling of resistant and susceptible rice genotypes in response to the seedborne pathogen *Fusarium fujikuroi*. *BMC Genomics*, 17(1):608, DOI: 10.1186/s12864-016-2925-.
 23. Monaco F, Sali G, Ben Hassen M, Facchi A, Romani M, Valè G (2016) Water management options for rice cultivation in a temperate area: a multi-objective model to explore economic and water saving results. *Water*, 8(8), 336, doi: 10.3390/w8080336; ISSN 2073-4441
 24. Mazza G, Agnelli AE, Orasen G, Gennaro M, Valè G, Lagomarsino A (2016) Reduction of Global Warming Potential from rice under alternate wetting and drying practice in a sandy soil of northern Italy. *Italian Journal of Agrometeorology*, 21(2): 35-44, DOI: 10.19199/2016.2.2038-5625.035; ISSN 2038-5625.
 25. Biscarini F, Cozzi P, Casella L, Riccardi P, Vattari A, Orasen G, Perrini R, Tacconi G, Tondelli A, Biselli C, Cattivelli L, Spindel J, McCouch S, Abbruscato P, Valè G, Piffanelli P, Greco R (2016) Genome-wide association study for traits related to plant and grain morphology, and root architecture in temperate rice accessions. *PLoS ONE*, 11(5): e0155425, doi:10.1371/journal.pone.0155425
 26. Barbierato V, Toppino L, Rinaldi P, Sala T, Bassolino L, Valè G, Ferrarini A, Delledonne M, Bagnaresi P, Rotino GL (2016) Phenotype and gene expression analyses of the Rfo-sa1 resistant aubergine interaction with *Fusarium oxysporum* f. sp. *melongenae* and *Verticillium dahliae*. *Plant Pathology*, 65(8): 1297-1309, Doi: 10.1111/ppa.12518.
 27. Carletti G, Carra A, Allegro G, Vietto L, Desiderio F, Bagnaresi P, Cattivelli L, Valè G, Nervo G (2016) QTLs for Woolly Poplar Aphid (*Phloeomyzus passerinii* L.) resistance Detected in an Inter-Specific *Populus deltoides* X *P. nigra* Mapping Population. *PLoS ONE*, 11(3): e0152569; DOI: 10.1371/journal.pone.0152569.
 28. Pessina S, Lenzi L, Perrazzolli M, Campa M, Dalla Costa L, Urso S, Valè G, Salamini F, Velasco R, Malnoy M (2016) Knockdown of MLO genes reduces susceptibility to powdery mildew in grapevine. *Horticulture Research*, 3, 16016; doi: 10.1038/hortres.2016.16
 29. Laino P, Russo M P, Guardo M, Reforgiato-Recupero G, Valè G, Cattivelli L, Moliterni VMC

- (2016) Rootstock-scion interaction affecting citrus response to CTV infection: a proteomic view. *Physiologia Plantarum*, 156: 444–467, DOI:10.1111/ppl.12395
30. Urso S, Biselli C, Desiderio F, Bagnaresi P, Crispino L, Piffanelli P, Abbruscato P, Assenza F, Guarnieri G, Cattivelli L., Valè G (2016). Genetic analysis of durable resistance to *Magnaporthe oryzae* in the rice accession Gigante Vercelli identified two blast resistance loci. *Molecular Genetics and Genomics*, 291:17-32, DOI 10.1007/s00438-015-1085-8
 31. Barabaschi D, Tondelli A, Desiderio F, Volante A, Vaccino P, Valè G, Cattivelli L (2016) Next generation breeding. *Plant Science*, 242: 3-13, DOI: <http://dx.doi.org/10.1016/j.plantsci.2015.07.010>
 32. Biselli C, Bagnaresi P, Cavalluzzo D, Urso S, Desiderio F, Orasen G, Gianinetti A, Righettini F, Gennaro M, Ben Hassen M, Sacchi GA, Cattivelli L, Valè G (2015) Deep sequencing transcriptional fingerprinting of rice kernels for dissecting grain quality traits. *BMC Genomics*, 16:1091, DOI 10.1186/s12864-015-2321-7.
 33. Barabaschi D, Magni F, Volante A, Gadaleta A, Šimková H, Scalabrin S, Prazzoli ML, Bagnaresi P, Lacrima K, Michelotti V, Desiderio F, Orrù L, Mazzamurro V, Fricano A, Mastrangelo AM, Tononi P, Vitulo N, Jurman I, Frenkel Z, Cattonaro F, Morgante M, Blanco A, Doležel J, Delledonne M, Stanca AM, Cattivelli L, Valè G (2015). Physical mapping of bread wheat chromosome 5A: an integrated approach. *The Plant Genome*, 8:3, DOI: 10.3835/plantgenome2015.03.0011
 34. Gadaleta A, Giancaspro A, Nigro D, Giove SL, Incerti O, Simeone R, Piarulli L, Colasuonno P, Valè G, Cattivelli L, Blanco A (2014). A new genetic and deletion map of wheat chromosome 5A to detect candidate genes for quantitative traits. *Molecular Breeding*, 34: 1599-1611, DOI: 10.1007/s11032-014-0185-1
 35. Desiderio F, Guerra D, Rubiales D, Piarulli L, Pasquini M, Mastrangelo AM, Simeone R, Blanco A, Cattivelli L, Vale' G (2014). Identification and mapping of quantitative trait loci for leaf rust resistance derived from a tetraploid wheat *Triticum dicoccum* accession. *Molecular Breeding*, 34:1659-1675, DOI: 10.1007/s11032-014-0186-0
 36. Aragona M, Minio A, Ferrarini A, Valente MT, Bagnaresi P, Orrù L, Tononi P, Zamperin G, Infantino A, Valè G, Cattivelli L, Delledonne M. (2014) De novo genome assembly of the soil-borne fungus and tomato pathogen *Pyrenochaeta lycopersici*. *BMC Genomics*, 15:313, DOI: 10.1186/1471-2164-15-313
 37. Portis E, Barchi L, Toppino L, Lanteri S, Acciarri N, Felicioni N, Fusari F, Barbierato V, Cericola F, Valè G, Rotino GL. (2014) QTL Mapping in eggplant reveals cluster of yield - related loci and orthology with the tomato genome. *PLoS ONE*, 9(2): e89499. DOI: 10.1371/journal.pone.0089499
 38. Biselli C, Cavalluzzo D, Perrini R, Gianinetti A, Bagnaresi P, Urso S, Orasen G, Lupotto E, Cattivelli L, Valè G (2014) Improvement of marker-based predictability of Apparent Amylose Content in japonica rice through GBSSI allele mining. *Rice*, 7:1, DOI: 10.1186/1939-8433-7-1
 39. Biselli C, Urso S, Tacconi G, Steuernagel B, Schulte D, Gianinetti A, Bagnaresi P, Stein N, Cattivelli L, Valè G. (2013) Haplotype variability and identification of new functional alleles at the *Rdg2a* leaf stripe resistance gene locus. *Theoretical and Applied Genetics* 126:1575–1586, DOI 10.1007/s00122-013-2075-z
 40. Urso S, Zottini M, Ruberti C, Lo Schiavo F, Stanca AM, Cattivelli L, Valè G. (2013) An *Agrobacterium tumefaciens*-mediated gene silencing system for functional analysis in grapevine leaves. *Plant Cell Tissue and Organ Culture* 114: 49-60. DOI: 10.1007/s11240-013-0305-3.
 41. Campos-Soriano L, Valè G, Lupotto E, San Segundo B (2013) Investigation of rice blast development in susceptible and resistant rice cultivars using a *gfp*-expressing *Magnaporthe oryzae* strain. *Plant Pathology*, 62: 1030-1037, DOI: 10.1111/ppa.12023
 42. Bagnaresi P, Biselli C, Orrù L, Urso S, Crispino L, Abbruscato P, Piffanelli P, Lupotto E, Cattivelli L, Valè G (2012) Comparative transcriptome profiling of the early response to *Magnaporthe oryzae* in durable resistant vs susceptible rice (*Oryza sativa* L.) genotypes. *PLoS ONE*, 7(12): e51609. DOI: 10.1371/journal.pone.0051609
 43. Bernardo L, Prinsi B, Negri AS, Cattivelli L, Espen L, Valè G. (2012) Proteomic characterization of the *Rph15* barley resistance gene-mediated responses to leaf rust. *BMC Genomics*, 13: 642. DOI: 1471-2164/13/642
 44. Gadaleta A., Giancaspro A., Giove S.L., Zacheo S., Incerti O., Simeone R., Colasuonno P., Nigro D., Valè G., Cattivelli L., Stanca M., Blanco A. (2012) Development of a deletion and genetic linkage map for the 5A and 5B chromosomes of wheat (*Triticum aestivum* L.). *Genome*, 55(6): 417-427. DOI:10.1139/G2012-028
 45. Barchi L, Lanteri S, Portis E, Valè G, Volante A, Pulcini L, Ciriaci T, Acciarri N, Barbierato V, Toppino L, Rotino GL (2012) A RAD Tag derived marker based eggplant linkage map and the

- location of QTLs determining anthocyanin pigmentation. PLoS ONE 7(8): e43740. DOI: 10.1371/journal.pone.0043740
46. Barabaschi D., Guerra D., Lacrima K., Laino P., Michelotti V., Urso S., Valè G., Cattivelli L. (2012) Emerging Knowledge from Genome Sequencing of Crop Species. *Mol Biotech* 50: 250-266. DOI 10.1007/s12033-011-9443-1
 47. Barchi L., Lanteri S., Portis E., Acquadro A., Valè G., Toppino L., Rotino G.L. (2011) Identification of SNP and SSR markers in eggplant using RAD tag sequencing. *BMC Genomics*, 12: 304. DOI: 1471-2164/12/304
 48. Bulgarelli D, Biselli C, Collins NC, Consonni G, Stanca AM, Schulze-Lefert P, Valè G (2010) The CC-NB-LRR-type Rdg2a resistance gene confers immunity to the seed-borne barley leaf stripe pathogen in the absence of hypersensitive cell death. *PLoS ONE*, 5:e12599, DOI:10.1371/journal.pone.0012599. ISSN 1932-6203
 49. Barchi L, Lanteri S, Portis E, Stàgel A, Valè G, Toppino L, Rotino GL (2010) Segregation distortion and linkage analysis in eggplant (*Solanum melongena* L.). *Genome*, 53:805-815. DOI:10.1139/G10-073
 50. Tacconi G, Baldassarre V, Lanzanova C, Faivre-Rampant O, Cavigiolo S, Urso S, Lupotto E, Valè G (2010) Polymorphism analysis of genomic regions associated with broad-spectrum effective blast resistance genes for marker development in rice. *Molecular Breeding*, 26:595-617, ISSN : 1380-3743. DOI:10.1007/s11032-010-9394-4
 51. Biselli C, Urso S, Bernardo L, Tondelli A, Tacconi G, Martino V, Grando S, Valè G (2010) Identification and mapping of the leaf stripe resistance gene Rdg1a in *Hordeum spontaneum*. *Theoretical and Applied Genetics*, 120: 1207-1218, DOI:10.1007/s00122-009-1248-2. ISSN 0040-5752.
 52. Haegi A., Bonardi V., Dall'Aglio E., Glissant D., Tumino G., Collins N., Bulgarelli D., Infantino A., Stanca A.M., Delledonne M., Valè G. (2008). Histological and molecular analysis of Rdg2a barley resistance to leaf stripe. *Molecular Plant Pathology*, 9(4): 463-478. DOI:10.1111/J.1364-3703.2008.00479.X
 53. Toppino L., Valè G., Rotino GL., (2008). Inheritance of Fusarium wilt resistance introgressed from *Solanum aethiopicum* Gilo and *Aculeatum* groups into cultivated eggplant (*S. melongena*) and development of associated PCR-based markers. *Molecular Breeding*, 22: 237-250. DOI:10.1007/s11032-008-9170-x
 54. Licciardello C, Russo MP, Valè G, Reforgiato-Recupero G (2008). Identification of differentially expressed genes in the flesh of blood and common oranges. *Tree Genetics and Genomes*, 4: 315-331. DOI:10.1007/s11295-007-0111-3
 55. Terzi V, Morcia C, Faccioli P, Valè G, Tacconi G, Malnati M, (2007). In vitro antifungal activity of the Tea Tree (*Melaleuca alternifolia*) essential oil and its major components against plant pathogens. *Letters of Applied Microbiology* 44: 613-618. DOI:10.1111/j.1472-765X.2007.02128.x
 56. Barabaschi D, Campani L, Francia E, Toubia-Rahme H, Valè G, Gianinetti A, Delogu G, Stanca AM, Pecchioni N. (2007). Haplotype structure around the nud locus in barley and its association with resistance to leaf stripe (*Pyrenophora graminea*). *Plant Breeding* 126: 24-29. DOI: 10.1111/j.1439-0523.2007.01340.
 57. Tacconi G, V. Baldassarre, N. C. Collins, D. Bulgarelli, A. M. Stanca, and G. Valè (2006). Haplotype characterization and markers at the barley Mlo powdery mildew resistance locus as tools for marker-assisted selection, *Genome* 49: 864-872. DOI:10.1139/G06-044
 58. Regis, C., Laura M., Morreale G., Valè G., Allavena A. (2006). Screening of viviparous plantlet formation-related genes in *Kalanchoe daigremontiana* by SSH analysis. *Acta Horticulturae* 714, 155-161. ISSN: 05677572 ISBN: 9066055499;978-906605549-0
 59. Rotino GL, Sihachakr D, Rizza F, Valè G, Tacconi MG, Alberti P, Mennella G, Sabatini E, Toppino L, D'Alessandro A, Acciarri N (2005). Current status in production and utilization of dihaploids from somatic hybrids between eggplant (*Solanum melongena* L.) and its wild relatives. *Acta Physiologiae Plantarum* 27: 723-733. DOI: 10.1007/s11738-005-0077-4
 60. Francia E., Tacconi G., Crosatti C., Bulgarelli D., Barabaschi D., Dall'Aglio E., G. Valè (2005). Marker-assisted selection in crop plants. *Plant Cell Tissue and Organ Culture* 82: 317-342. DOI:10.1007/s11240-005-2387-z
 61. Bulgarelli D., N.C. Collins, G. Tacconi, E. Dall'Aglio, R. Brueggeman, A. Kleinhofs, A.M. Stanca, G. Valè (2004). High-resolution genetic mapping of the leaf stripe resistance gene Rdg2a in barley. *Theoretical and Applied Genetics*, 108: 1401-1408. DOI:10.1007/s00122-003-1557-9
 62. Arru L., N. Faccini, C. Govoni, L. Cattivelli, N. Pecchioni, G. Delogu, A.M. Stanca, G. Valè (2003). The PCR-based marker MWG2018 linked to the Rdg2a leaf stripe resistance gene is a useful tool for assessing barley resistance in breeding programs. *Crop Science*, 43, 1036-1042.

63. Müller K.J., G. Valè, D. Enneking (2003): Selection of resistant spring-barley accessions after natural infection with leaf stripe (*Pyrenophora graminea*) under organic farming conditions in Germany and by sandwich test. *Journal of Plant Pathology*, 85/1, 9-14
64. Orru L., R.E. Nicks, P. Lindhout, G. Valè, E. Francia, N. Pecchioni (2002). Genomic regions determining resistance to leaf stripe (*Pyrenophora graminea*) in barley. *Genome* 45: 460-466. DOI:10.1139/G02-004
65. Baldi P., G. Valè, E. Mazzucotelli, C. Govoni, P. Faccioli, A.M. Stanca, L. Cattivelli (2001). The transcripts of several components of the protein synthesis machinery are cold-regulated in a chloroplast-dependent manner in barley and wheat. *Journal of Plant Physiology* 158: 1541-1546. DOI:10.1078/0176-1617-00591
66. Tacconi G., L. Cattivelli, N. Faccini, N. Pecchioni, A.M. Stanca, G. Valè (2001). Identification and mapping of a new leaf stripe resistance gene in barley (*Hordeum vulgare* L.). *Theoretical and Applied Genetics* 102: 1286-1291. DOI:10.1007/s001220000510
67. Zhou F., J. Kurth, F. Wei, C. Elliot, G. Valè, N. Yahiaoui, B. Keller, S. Somerville, R. Wise, P. Schulze-Lefert (2001). Cell-autonomous Expression of Barley Mla1 Confers Race-specific Resistance to the Powdery Mildew Fungus via a Rar1 Independent Signaling Pathway. *Plant Cell* 13: 337-350. DOI: <http://dx.doi.org/10.1105/tpc.13.2.337>
68. Pecchioni N., G. Tacconi, L. Arru, L. Bellini, G. Valè (2000). The resistance of barley to leaf stripe caused by *Pyrenophora graminea*. *Czech Journal of Genetics and Plant Breeding*, 36: 88-91; ISSN 1212-1975
69. Baldi P., M. Grossi, N. Pecchioni, G. Valè, L. Cattivelli (1999). High expression level of a gene coding for a chloroplastic amino acid selective channel protein is correlated to cold acclimation in cereals. *Plant Molecular Biology* 41: 233-243. DOI:10.1023/A:1006375332677
70. Pecchioni N., L. Arru, L. Bellini, A.M. Stanca, G. Valè (1999). The wheat leaf rust resistance gene *Lrk10* maps to barley chromosome 1HS. *Journal of Genetics and Breeding*, 53: 113-119; ISSN: 03949257
71. Pecchioni N., G. Valè, H. Toubia-Rahme, P. Faccioli, V. Terzi, G. Delogu (1999). Barley-*Pyrenophora graminea* interaction: QTL analysis and gene mapping. *Plant Breeding*, 118: 29-35. DOI:10.1046/j.1439-0523.1999.118001029.
72. Valè G, M. Aragona, E. Torrigiani, L. Cattivelli, M. Montigiani, A. Porta-Puglia (1998). Characterization of a hypovirulent insertional mutant of *Pyrenophora graminea* and analysis of the barley defence response after inoculation. *Plant Pathology*, 47: 657-664. DOI:10.1046/j.1365-3059.1998.00290.
73. Valè G, H. Thoubia-Rahme, G. Delogu, P. Faccioli, V. Terzi, N. Pecchioni (1997). Molecular mapping of genes conferring resistance to *Pyrenophora graminea*. *Journal of Applied Genetics* 38B: 7-15; ISSN 1234-1983
74. Pecchioni N., P. Faccioli, H. Toubia-Rahme, G. Valè, V. Terzi (1996). Quantitative resistance to barley leaf stripe (*Pyrenophora graminea*) is dominated by one major locus. *Theoretical and Applied Genetics*, DOI:93: 97-101. 10.1007/BF00225733
75. Valè G, E. Torrigiani, L. Cattivelli, G. Delogu (1994). Molecular study on barley-*Drechslera graminea* interaction. *Genetica Polonica* 35B, pp. 31-37 ISSN 0016-6715
76. Valè G, E. Torrigiani, A. Gatti, G. Delogu, A. Porta-Puglia, G. Vannacci, L. Cattivelli (1994). Activation of genes in barley roots in response to infection by two *Drechslera graminea* isolates. *Physiological and Molecular Plant Pathology*, 44 : 207-215; DOI: 10.1016/S0885-5765(05)80005-0