

# Curriculum Vitae et studiorum di Erica Mica

## Dati Personali MICA ERICA

MAIL: erica.mica@uniupo.it

CITTADINANZA: italiana

NATA IL 23/06/1978 A VERONA

## ESPERIENZA LAVORATIVA

- Gen 2007 – Giu 2008 **Assegno di Ricerca** Bandito con D.R. n 244760 del 10/10/06, della durata di 18 mesi ai sensi dell'art.51/legge 27/12/97 N.449  
Presso: **Università degli Studi di Milano** (Dip. Scienze Biomolecolari e Biotecnologie).  
Titolo Assegno: *Caratterizzazione strutturale e funzionale dei geni che codificano microRNA in vite.*
- Ago 2008 – Lug 2009 **Assegno di Ricerca** Bandito con D.D. n. 426 del 24/6/08, della durata di 12 mesi ai sensi dell'art.51/legge 27/12/97 N.449 e del regolamento interno della scuola.  
Presso: **Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa**  
Titolo Assegno: Caratterizzazione strutturale e funzionale di microRNA in piante di interesse agrario
- Ago 2009 – Lug 2010 **Assegno di Ricerca** Bandito con D.D. n. 426 del 24/6/08, rinnovato per ulteriori 12 mesi ai sensi dell'art.51/legge 27/12/97 N.449 e del regolamento interno della scuola.  
Presso: **Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa**  
Titolo Assegno: Caratterizzazione strutturale e funzionale di microRNA in piante di interesse agrario
- Ago 2010 – Genn 2011 **Assegno di Ricerca** Bandito con D.D. n. 426 del 24/6/08, rinnovato per ulteriori 6 mesi ai sensi dell'art.51/legge 27/12/97 N.449 e del regolamento interno della scuola.  
Presso: **Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa**  
Titolo Assegno: Caratterizzazione strutturale e funzionale di microRNA in piante di interesse agrario
- Feb 2011 – Genn 2012 **Assegno di Ricerca** Bandito con D.D. n. 426 del 24/6/08, rinnovato per ulteriori 12 mesi ai sensi dell'art.51/legge 27/12/97 N.449 e del regolamento interno della scuola.  
Presso: **Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa**  
Titolo Assegno: Caratterizzazione strutturale e funzionale di microRNA in piante di interesse agrario
- Feb 2012 – Dic-2012 **Ricercatore a tempo determinato, (art24 comma 3° L240/2010)** posizione bandita con bando FIRB-2010 Futuro in Ricerca e vinta con progetto codice *RBFR10SDOV*.  
Presso: **Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa**
- 31Dic 2012-31 Ago 2022 **Ricercatore III livello tempo indeterminato**, in seguito a concorso pubblico per titoli ed esami, pubblicato G.U.R.I. n.25 del 30/03/2010  
Presso: Consiglio per la ricerca in agricoltura e l'analisi dell'economia agraria - Centro CREA-GB di Fiorenzuola d'Arda (PC)
- 01 Set 2022 ad oggi **Ricercatore tempo determinato** (art24 comma 3 lettera B L240/2010, in seguito a concorso pubblico per titoli ed esame, codice bando 2021-rtdb010. Settore 05/I1  
Presso Università del Piemonte Orientale (Dipartimento di Scienze e Innovazione Tecnologica)

## ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Nov. 2003 – Nov 2006	<b>Dottorato di Ricerca in Scienze Genetiche e Biomolecolari</b>
Università	Università degli Studi di Milano, Dottorato con Borsa di Studio
Titolo tesi	Characterization of miRNA families in <i>Zea mays</i> L. and <i>Arabidopsis thaliana</i>

Mar. 2003- Nov 2003	<b>Borsa di Studio post laurea "Giovani Promettenti"</b>
Università	Università degli Studi di Milano, Dipartimento di Scienze Biomolecolari e Biotecnologie
Titolo Borsa	Genetic Basis of maize response to water stress
Sett 1997 -Feb. 2003	<b>Laurea Magistrale in Biotecnologie agro-industriali, voto 110/110 e lode</b>
Titolo tesi	"Studio dell'espressione di due "receptor-like protein kinase" della sottofamiglia DUF26 in relazione alla resistenza e alla patogenicità in <i>Arabidopsis thaliana</i> "
Università	Università degli Studi di Verona.

## RICONOSCIMENTI / AFFILIAZIONI

10 Dic 2007	Premio Tesi Di Dottorato, rilasciato dal 5° Convegno AISSA, presso Università di Foggia
Mar 2013 – Mar 2016	Affiliate Researcher dell'Istituto Scienze della Vita della Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa
Maggio 2020	Nominata cultore della materia, presso Università del Piemonte Orientale, per il corso di Genetica I – corso di laurea in Scienze Biologiche e Genetica II, corso di laurea magistrale in Biologia.
18 Nov. 2020	Conseguimento Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore universitario di Seconda Fascia nel Settore Concorsuale 05/I1 - GENETICA.

## ATTIVITA' DI RICERCA PRESSO ISTITUTI / ATENEI ESTERI

Feb. 2006 – Sett. 2006	Visiting Scientist presso il Max Planck Institute for Developmental Biology, Tuebingen-Germany sotto la supervisione del prof. D. Weigel
Mar. 2009-Apr. 2009	Short Term Scientific Mission - COST Action 858 presso UMR- Ecophysiologie moléculaire et génomique fonctionnelle de la Vigne - INRA - Bordeaux – France – Supervisione del Prof. S Delrot

## PARTECIPAZIONE COME RELATORE A CONVEGNI DI CARATTERE SCIENTIFICO IN ITALIA O ALL'ESTERO

14-17 -09-2008	<b>Relatore al 52 Convegno SIGA</b> , Padova, Italia. Mica E., , Piccolo V., Ferrarini A., Casati C., Delledonne M., Morgante M., Pezzotti M., Pesole G.,, Pè M.E., Horner D. "Genomic Analysis Of Conserved Micronas Genes In Grapevine" 14-17 Settembre 2008
10-14-01-2009	<b>Relatore al convegno "Plant and Animal Genomes (PAG) XVII Conference"</b> . San Diego, California. Mica E., Piccolo V., Ferrarini A., Casati C., Delledonne M., Morgante M., Pezzotti M.,

- Pesole G., Pè ME., Horner DS. "A Multiple Approach to microRNAs Characterization in Grapevine." 10-14 Gennaio 2009  
dal 27-30-10-2009
- Relatore al Final COST 858 Viticulture Meeting.** Bordeaux, France. Mica E., Bertolini E., Piccolo V., Horner DS., Pè ME. "An integrated approach for the characterization of miRNAs in grapevine" 27-30 ottobre 2009  
04-07-05-2011
- Relatore al convegno "The Plant Genomics European Meeting (Plant GEM) meets global challenges"** - Istanbul – Turkey. Mica E., Bertolini E., Verelst W., Piccolo V., Inzè D., Horner D., Pè ME. Conserved and species-specific microRNAs are involved in leaf cell identity and growth reprogramming during drought stress in *Brachypodium distachyon*. 4-7 Maggio 2011  
19-21-06-2013
- Relatore al convegno "1st international Brachypodium Conference"**, Modena, Italy.  
Bertolini E., Verelst W., Horner DS., Gianfranceschi L., Inzè D., Pè ME., Mica E. "Analysis of microRNA in proliferating and expanding leaf cells during drought stress in *Brachypodium distachyon*." 19-21 Giugno 2013  
17-20-06-2019
- Invited Speaker al Convegno Internazionale "Epigenetic and RNA-mediated regulation in plant development and stress response"** - VIII Annual Meeting of the Plant Genetics and Biotechnology Network - Conegliano (TV). 17-20 Giugno 2019

### ATTIVITA' DIDATTICHE E SEMINARIALI

- Mar. 2012 – Mag. 2012 Didattica integrativa (20 ore) corso di Genetica - A.A. 2011-2012 Interfacoltà Biotecnologie - Università degli Studi di Milano
- Ott. 2012 – Gen. 2013 Didattica Integrativa (23 ore) corso di Genetica A.A. 2012/2013 - Scienze e Tecnologie per l'Ambiente e la Natura - Università degli Studi di Milano
- Ott. 2013 Relatore Seminario Didattico presso Dipartimento Scienze agrarie Forestali e Alimentari (DISAFA) - Università degli Studi di Torino
- Nov. 2013 ad oggi Partecipazione Collegio Docenti del corso di Dottorato in Agrobiodiversità della Scuola Superiore di Studi Universitari e Perfezionamento Sant'Anna, Pisa
- Nov 2013 – Mag. 2017 Partecipazione collegio docenti del corso di Dottorato in Agrobioscienze, Scuola Superiore di Studi Universitari e perfezionamento Sant'Anna, Pisa
- Nov 2019 - Dic-2019 Valutatore tesi PhD - PhD program in Molecular and Cellular Biology - Università degli Studi di Milano
- Giu-Set 2021 Lezioni teoriche e pratiche su "Small RNA e degradoma" nell'ambito dei Corsi teorici-pratici SIGA "Trascrittoma: dal disegno sperimentale all'interpretazione biologica del dato"
- 10 Novembre 2021 Lezione per il corso di "Metodologie di genetica e Biotecnologie vegetali" per laurea triennale di Scienze Biologiche, Università degli Studi di Milano

Nello svolgimento di queste attività didattiche, Erica Mica, ha svolto il ruolo di co-relatore di 6 tesi di laurea presso l'Università di Milano e di Parma, e di 3 tesi di Dottorato, per la scuola Superiore Sant'Anna di Pisa, come mostrato nei titoli allegati

### PROGETTI SCIENTIFICI

- 2012-2015 **Responsabile scientifico** del progetto FIRB- Futuro in Ricerca 2010 dal titolo "Approcci genomici per definire il ruolo degli smallRNA nella riprogrammazione dello sviluppo della foglia in condizioni di stress idrico nei cereali"(cod RBFR10SDOV).

- dal 2006 al 2007 **Partecipazione attività di Ricerca** all'interno del gruppo di ricerca italo-francese per il sequenziamento del genoma della vite: Progetto:VIGNA-"Sequenziamento e caratterizzazione funzionale del genoma della vite"-
- 2011 al 2013 **Partecipazione attività di Ricerca** Progetto Nazionale Vigneto: VALORIZZAZIONE DEI PRINCIPALI VITIGNI AUTOCTONI ITALIANI E DEI LORO "TERROIR"
- 2012-2015 **Attività di ricerca** nel Progetto Cooperazione Italia-Israele (Research Program 2011) Titolo Ringo -Analisi globale dell'interazione nesto-portinnesto in vite ( D.M. 27724/7303/11 del 29/12/2011)
- 2016 -2019 **Attività di ricerca** nel Progetto MSCA-RISE 2015 – "ExpoSeed" Titolo: Exploring the molecular control of seed yield in crops"
- 01-05-2018 a oggi **Attività di ricerca** nel progetto "BIOTECNOLOGIE SOSTENIBILI PER L'AGRICOLTURA ITALIANA" Sottoprogetto: Approcci di genome editing per ottimizzare la performance dei cereali tramite il controllo dei pathway ormonali" (WHEADIT) Finanziato da Ministero MIPAAF
- 12-12-2018 ad oggi **Attività di ricerca** nel Progetto PRIMA18 – "Gendibar" Titolo: Gendibar - Utilization of local genetic diversity for studying barley adaptation to harsh environments and for pre-breeding
- Ottobre 2019 **Valutazione Progetto di Ricerca** per il National Science Centre – Cracovia-Polonia, progetto "Profiling of miRNA expression in germinating barley seeds maintained in long-term storage of the Gene Bank" (numero 2019/33/N/NZ9/01273 ).

## LINGUE PARLATE

**MADRELINGUA** ITALIANO

**ALTRE LINGUE** INGLESE (FLUENTE ) CONSEGUITO First certificate in English, Oxford School  
TEDESCO (LIVELLO ELEMENTARE)

## PUBBLICAZIONI

### ARTICOLI SU RIVISTA

1. Mica, E., Gianfranceschi L., Pè, M.E. Characterization of Five microRNAs Families in Maize. (2006). Journal of Experimental Botany. 57(11):2601-12.
2. Jaillon O, Aury JM, Noel B, Policriti A, Clepet C, Casagrande A, Choisne N, Aubourg S, Vitulo N, Jubin C, Vezzi A, Legeai F, Huguency P, Dasilva C, Horner D, Mica E, et al., The grapevine genome sequence suggests ancestral hexaploidization in major angiosperm phyla. (2007). Nature. 449:463-7.
3. Wang JW, Schwab R, Czech B, Mica E, Weigel D. Dual Effects of miR156-Targeted SPL Genes and CYP78A5/KLUH on Plastochron Length and Organ Size in Arabidopsis thaliana. (2008) Plant Cell. 20(5):1231-43
4. Carra A, Mica E, Gambino G, Pindo M, Moser C, Pè ME, Schubert A. Cloning and characterization of small non-coding RNAs from grape. (2009). Plant J. 59(5):750-63.

5. Mica E, Piccolo V, Delledone M, Ferrarini A, Pezzotti M, Casati C, Del Fabbro C, Valle G, Policriti A, Morgante M, Pesole G, Pe ME, Horner DS. Correction: High throughput approaches reveal splicing of primary microRNA transcripts and tissue specific expression of mature microRNAs in *Vitis vinifera*. (2010). *BMC Genomics*.11:109.
6. Wollmann H, Mica E, Todesco M, Long JA, Weigel D. On reconciling the interactions between APETALA2, miR172 and AGAMOUS with the ABC model of flower development.(2010) *Development*.137(21):3633-42.
7. Bertolini E, Verelst W, Horner DS, Gianfranceschi L, Piccolo V, Inzé D, Pè ME, Mica E . Addressing the role of microRNAs in reprogramming leaf growth during drought stress in *Brachypodium distachyon*. (2013) *Mol Plant*. 6(2):423-43.
8. International Peach Genome Initiative, Verde I, Abbott AG, Scalabrin S, Jung S, Shu S, Marroni F, Zhebentyayeva T, Dettori MT, Grimwood J, Cattonaro F, Zuccolo A, Rossini L, Jenkins J, Vendramin E, Meisel LA, Decroocq V, Sosinski B, Prochnik S, Mitros T, Policriti A, Cipriani G, Dondini L, Ficklin S, Goodstein DM, Xuan P, Del Fabbro C, Aramini V, Copetti D, Gonzalez S, Horner DS, Falchi R, Lucas S, Mica E, Maldonado J, Lazzari B, Bielenberg D, Pirona R, Miculan M, Barakat A, Testolin R, Stella A, Tartarini S, Tonutti P, Arús P, Orellana A, Wells C, Main D, Vizzotto G, Silva H, Salamini F, Schmutz J, Morgante M, Rokhsar DS. The high-quality draft genome of peach (*Prunus persica*) identifies unique patterns of genetic diversity, domestication and genome evolution. (2013) *Nat Genet*. 45:487-94.
9. Guerra D, Crosatti C, Khoshro HH, Mastrangelo AM, Mica E and Mazzucotelli E. Post-transcriptional and post-translational regulations of drought and heat response in plants: a spider's web of mechanisms. (2015) *Front. Plant Sci*.
10. Belli Kullán J, Lopes Paim Pinto D, Bertolini E, Fasoli M, Zenoni S, Tornielli GB, Pezzotti M, Meyers BC, Farina L, Pè ME, Mica E. miRVine: a microRNA expression atlas of grapevine based on small RNA sequencing. (2015) *BMC Genomics*.
11. Paim Pinto DL, Brancadoro L, Dal Santo S, De Lorenzis G, Pezzotti M, Meyers BC, Pè ME, Mica E. The Influence of Genotype and Environment on Small RNA Profiles in Grapevine Berry. (2016) *Front Plant Sci*. 7:1459.
12. Giusti L, Mica E, Bertolini E, De Leonardis AM, Faccioli P, Cattivelli L, Crosatti C. microRNAs differentially modulated in response to heat and drought stress in durum wheat cultivars with contrasting water use efficiency. (2017) *Funct Integr Genomics*. 17:293-309.
13. Maccaferri M, Harris NS, Twardziok SO, Pasam RK, Gundlach H, Spannagl M, Ormanbekova D, Lux T, Prade V, Milner S, Himmelbach A, Mascher M, Bagnaresi P, Faccioli P, Cozzi P, Lauria M, Lazzari B, Stella A, Manconi A, Gnocchi M, Moscatelli M, Avni R, Deek J, Biyiklioglu S, Frascaroli E, Corneti S, Salvi S, Sonnante G, Desiderio F, Marè C, Crosatti C, Mica E, Ozkan H, De Vita P, Marone D, Joukhadar R, Mazzucotelli E, Nigro D, Gadaleta A, Chao S, Faris J, Melo ATO, Pumphrey M, Pecchioni N, Milanese L, Wiebe K, Ens J, MacLachlan RP, Clarke JM, Sharpe AG, Koh K, Liang KYH, Taylor GJ, Knox R, Budak H, Mastrangelo AM, Xu SS, Stein N, Hale I, Distelfeld A, Hayden MJ, Tuberosa T, Walkowiak S, Mayer KFX, Ceriotti A, Pozniak CJ, Cattivelli L, Durum wheat genome highlights past domestication signatures and future improvement targets. (2019) *Nature Genetics*. 51(5):885-895.
14. Zombardo A, Mica E, Puccioni S, Perria R, Valentini P, Mattii GB, Cattivelli L, Storchi P. (2020) Berry quality of grapevine under water stress as affected by rootstock-scion interactions through gene expression regulation. *Agronomy*. 10 (5):680; doi:10.3390/agronomy10050680
15. Zombardo A, Crosatti C, Bagnaresi P, Bassolino L, Reshef N, Puccioni S, Faccioli P, Tafuri A, Delledonne M, Fait A, Storchi P, Cattivelli L, Mica E (2020) Transcriptomic and biochemical investigations support the role of rootstock-scion interaction in grapevine berry quality. *BMC Genomics*. 21(1):468. doi: 10.1186/s12864-020-06795-5.

## CAPITOLI DI LIBRO

16. Bertolini E, Pè ME, and Mica E. “Transcriptional and Posttranscriptional Regulation of Drought Stress Treatments in *Brachypodium* Leaves.” In *Brachypodium Genomics: Methods and Protocols*, (2018) edited by Gaurav Sablok, Hikmet Budak, and Peter J. Ralph, 21–29. New York, NY: Springer New York.
17. De Quattro C, Mica E, Pè ME, and Bertolini E. “*Brachypodium Distachyon* Long Noncoding RNAs: Genome-Wide Identification and Expression Analysis.” In *Brachypodium Genomics: Methods and Protocols*, (2018) edited

by Gaurav Sablok, Hikmet Budak, and Peter J. Ralph, 31–42. New York, NY: Springer New York.

18. Mica E, Pezzotti M, Pè ME. “Small non-coding RNAs: an important factor in grapevine gene regulation” In Italian Wine Grape Varieties. Their viticultural characterization” (2015) edited by L. Bavaresco and M Gardiman. 145-150. Gianni Sartori editore, TV -ITALY
19. Fricano A, Battaglia R, Mica E, Tondelli A, Crosatti C, Guerra D, and Cattivelli L. “Genetic Diversity for Barley Adaptation to Stressful Environments” In Genomic Designing for Abiotic Stress Resistant Cereal Crops. (2021) edited by C. Kole, 153-191. Springer, Cham. Springer New York [https://doi.org/10.1007/978-3-030-75875-2\\_4](https://doi.org/10.1007/978-3-030-75875-2_4)

## **POSTER PRESENTATI NEGLI ULTIMI 10 ANNI A CONGRESSI NAZIONALI/INTERNAZIONALI**

- Mica E, Gazzetti K, Crosatti C, Guerra D, Battaglia R, Cattivelli L. Investigating the role of GRF4 in Barley seed size determination. 13th International Barley Genetic Symposium. Riga Latvia.3-7 **July 2022**.
- Crosatti C., Michelotti V., Tafuri A., Gazzetti K., Rossi R., Migliorini C., Guerra D., Cattivelli L., Mica E., Battaglia R. Identification and Functional Characterization of Key Genes Influencing Yield Potential in Barley. LXIV Siga Annual Congress, Online, 14th-16th **September, 2021**. Oral Presentation
- Rossi R., Michelotti M., Mica E., Crosatti C., Masiero S., Cornaro L., Baslam M., Tafuri A., Battaglia R. Sugar Transport In Barley, The Role Of The Sweet4 Gene. LXIII Siga Annual Congress Napoli, 10th-13th **September, 2019** Oral Presentation
- Kiro A.Y., Guerra D., Desiderio F., Michelotti V., Ghidotti S., Mazzucotelli E., Battaglia R., Mica E. Approaching The Identification Of Grain Yield Components Controlling Genes In Durum Wheat LXIII Siga Annual Congress Napoli, 10th-13th **September, 2019**
- Mica E., Michelotti V., Gregori G., Ventrelli C., Rossi R., Cornaro L., Masiero S., Crosatti C., Brunoud G., Battaglia R. Functional Dissection Of Starch Turnover During Barley Inflorescence And Seed Development. LXII Siga Annual Congress Verona, 25th-28th **September, 2018**
- Tafuri A., Mica E, Giusti L., Faccioli P., Battaglia R., Masiero S., Cattivelli L., Crosatti C. Identification And Functional Characterization Of Barley miR397a Regulated During Cold Acclimation . LXII Siga Annual Congress Verona, 25th-28th **September, 2018**
- Vania Michelotti, Caterina Ventrelli, Roberta Rossi, Letizia Cornaro, Erica Mica, Cristina Crosatti and Raffaella Battaglia. Functional dissection of starch turnover during barley inflorescence formation. II International Barley Mutant workshop, Dundee, UK 25-27 **June, 2018**
- De Quattro C., Daccord N., Bucher E., Mica E., Pè M.E., Bertolini E. The Role Of Epigenetics Controlling Leaf Cell Differentiation During Drought Stress In Brachypodium distachyon. Joint Congress Sibv-Siga Pisa, Italy –19-22 **September, 2017**
- Crosatti C, Mica E, Faccioli P, Tononi P, Delledonne M., Storchi P, Zombardo A., Bernardo L., Bagnaresi P., Giusti L., Cattivelli L. Transcriptomic Analysis Of Rootstock-Scion Interaction In Grapevine Berries. Joint Congress Sibv-Siga Milano, Italy –8-11 **September, 2015**
- Crosatti C, Giusti L, Faccioli P, De Leonardis AM, Bertolini E, Pè ME, Cattivelli L, Mica E Comparative leaves microRNAs profiling during heat and drought stress in cereals. Congress “From Seed To Pasta & Beyond: a sustainable Durum Wheat Chain for food security and healthy lives”, Bologna 31 may and 2 June, Expo Milano 3 **June 2015**
- Mica E, Faccioli P., Tononi P, Delledonne M, Storchi P, Zombardo A, Morreale G, Vaňková R, Dobrev P.I, Mocali S, Bernardo L, Giusti L, Costantini E, Priori S, Crosatti C, Reshef N, Or E, Fait A, Cattivelli L. Rootstock-Scion Interaction In Grapevine: An Omics Perspective. GRACIOUS: First Israel-Italy Grapevine Symposium Conference, Ben Gurion University, Midreshet Ben Gurion, Israel. 28-31 **October, 2014**
- J. Belli Kullan, D. Lopes Paim Pinto, E. Bertolini, M. Fasoli, S. Zenoni, M. Pezzotti, B. Meyers, L. Farina, M.E. Pè, E. Mica. miRVine: a microRNA expression atlas of grapevine based on small RNA library sequencing. XIII FISV Congress. Pisa, 24-27 **September 2014**
- Mica E., Faccioli P., Tononi P., Delledonne M., Storchi P., Zombardo A., Morreale G., Vanková R., Dobrev P.I., Mocali S., Bernardo L., L. Giusti, Costantini E., Priori S., Crosatti C., Reshef N., Or E., Fait A., Cattivelli L. Rootstock-Scion Interaction In Grapevine: An Omics Perspective. LVIII Siga Annual Congress Alghero, 15th-18th **September, 2014**
- Lopes Paim Pinto D, Kullan JB, Mica E, Fasoli M, Pezzotti M, Meyers BC, Pè ME. Profiling of Novel and Candidate microRNAs in Grapevine by High Throughput Sequencing. "Plant and Animal Genomes (PAG) XXII Conference". San Diego, California, **11-15 Jan 2014**
- Bertolini E., Mingrino A., Horner D.S., Inze' D., Pè M.E., Mica E. Molecular Networks Controlling Cell Differentiation Along The Proximo-Distal Axis During Drought Stress In Brachypodium Distachyon. LVIII Siga Annual Congress Alghero, 15th-18th **September, 2014**

- E. Bertolini, A. Mingrino, D.S. Horner, D. Inze', Pè M.E., Mica E. Molecular Networks Controlling Leaf Cell Differentiation During Drought Stress In Brachypodium distachyon. XIII FISV Congress. Pisa, 24-27 **September 2014**
- E. Bertolini, W. Verelst, D. Inzé, D.S. Horner, M.E. Pè, E. Mica. Identification of microRNAs controlling leaf cell development during drought stress in Brachypodium distachyon. XII FISV Congress. Roma, 24-27 **September 2012**
- J. Belli Kullán, D. Lopes Paim Pinto, D.S. Horner, M. Fasoli, S. Zenoni, M. Pezzotti, M.E. Pè, E. Mica. Grapevine small RNAs and their involvement in genotype x environment interaction. XII FISV Congress. Roma, 24-27 **September 2012**